

<i>Sample Name</i>	<i>Site</i>	<i>Raw Data</i>	<i>Assembly size</i>	<i># Contigs</i>	<i>Largest contig</i>	<i>N50</i>
<i>CP1</i>	<i>Nakabusa</i>	<i>11.5 Gb</i>	<i>60 Mb</i>	<i>27594</i>	<i>147637</i>	<i>3053</i>
<i>CP2</i>	<i>Nakabusa</i>	<i>6.8 Gb</i>	<i>178 Mb</i>	<i>86054</i>	<i>724309</i>	<i>2507</i>
<i>JP1</i>	<i>Jinata</i>	<i>41.7 Gb</i>	<i>326 Mb</i>	<i>165282</i>	<i>234753</i>	<i>2221</i>
<i>JP3</i>	<i>Jinata</i>	<i>9.0 Gb</i>	<i>133 Mb</i>	<i>66077</i>	<i>219578</i>	<i>2465</i>

Supplementary Table 1: Metagenome statistics